时空三极环境大数据平台

**青藏高原主要家养动物基因组重测序数据（2019）**

英文标题：Genome resequencing data of main domestic animals in the Tibetan Plateau (2019)

1、摘要

为描述青藏高原及周边地区主要驯化动物遗传多样性的分布格局，厘清其相关遗传背景。2019年我们对在巴基斯坦、泰国地区采集的21只本地家鸡组织样品提取总DNA，建库并做基因组重测序。测序产生了一批140G基因组重测序原始数据。为研究青藏高原家养动物适应高原极端环境提供基础数据，为探索该地区主要驯化动物的驯化、迁徙、扩张等群体历史事件，并进一步探讨驯化动物对缺氧、高寒、干燥等恶劣环境的适应机理提供资料。

2、关键词

主题关键词：森林
学科关键词：陆地表层
地点关键词：泛第三极
时间关键词：2019

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：140000.0MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：36.945572 | - |
| 西：63.153851 | - | 东：75.259272 |
| - | 南：32.293902 | - |

5、时间范围2019-01-06 16:00:00+00:00--2020-01-06 03:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

李艳. 青藏高原主要家养动物基因组重测序数据（2019）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270434, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270434, 2020.[LI Yan. Genome resequencing data of main domestic animals in the Tibetan Plateau (2019). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270434, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270434, 2020]

文章的引用:

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项(XDA20000000)
第二次青藏高原综合科学考察研究

8、数据资源提供者

姓名: 李艳
单位: 云南大学
电子邮件: liyan0910@ynu.edu.cn