时空三极环境大数据平台

**小鼠转录组测序数据（2019）**

英文标题：Sequence data of mice transcriptome (2019)

1、摘要

根据已获得的基因组数据进行筛选从而得到的候选基因，大部分与生理发育相关，为研究候选基因的具体调节机制，因此进行对应的功能验证试验。因此通过获得相应的转基因小鼠，并对其纯合型和野生型样本的相应组织进行转录组测序（共计22份组织样本，包括大脑、骨髓、肌肉组织）。之后通过对此批转录组数据进行分析，从而完善对候选基因的功能验证，为了解物种在不同地区适应性遗传机制，以及生长发育过程中的生理调节提供有力的资料。

2、关键词

主题关键词：生物资源,脊椎动物  
学科关键词：人地关系  
地点关键词：青藏高原  
时间关键词：2019

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：91000.0MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：25.059195 | - |
| 西：102.708843 | - | 东：102.708843 |
| - | 南：25.059195 | - |

5、时间范围2021-12-08 00:00:00+00:00--2022-02-07 11:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

李艳. 小鼠转录组测序数据（2019）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270899, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270899, 2020.[LI Yan. Sequence data of mice transcriptome (2019). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270899, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270899, 2020]

文章的引用:

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项(XDA20000000)  
第二次青藏高原综合科学考察研究

8、数据资源提供者

姓名: 李艳  
单位: 云南大学  
电子邮件: liyan0910@ynu.edu.cn