时空三极环境大数据平台

**大戟科和豆科基因组数据汇交（2015-2024）**

英文标题：Plateau plant genome data collection (2015-2024)

1、摘要

青藏高原丰富的生境多态性使其成为自然资源的宝库，高原植物中存在抗寒、耐旱、抗盐、抗紫外辐射、高光效等特殊的基因资源，如何挖掘利用并建立具有独立自主产权的功能基因资源，对我国现代农作物育种具有重要的潜在应用价值。高质量的染色体级基因组为解析植物适应性机制、抗逆性基因挖掘等相关研究提供了坚实的分子基础。本次数据汇交的内容主要为：大戟科青藏大戟的基因组数据集，包含染色体级基因组序列，注释文件；大戟科续随子的基因组数据集，包含染色体级基因组序列，注释文件；大戟科光棍树的基因组数据集，包含染色体级基因组序列，注释文件；豆科砂生槐的基因组数据集，包含染色体及基因组序列，注释文件。

2、关键词

主题关键词：植被
学科关键词：陆地表层
地点关键词：青藏高原
时间关键词：2015-2024年

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：4475.6MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：42.0 | - |
| 西：97.0 | - | 东：102.0 |
| - | 南：37.0 | - |

5、时间范围2020-06-29 16:00:00+00:00--2022-06-30 16:00:00+00:00

6、引用方式

数据的引用:

杨永平. 大戟科和豆科基因组数据汇交（2015-2024）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/Terre.tpdc.272670, CSTR:18406.11.Terre.tpdc.272670, 2022.[YANG Yongping. Plateau plant genome data collection (2015-2024). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/Terre.tpdc.272670, CSTR:18406.11.Terre.tpdc.272670, 2022]

文章的引用:

7、资助项目信息

第二次青藏高原综合科学考察研究

8、数据资源提供者

姓名: 杨永平
单位: 中国科学院昆明植物研究所
电子邮件: yangyp@mail.kib.ac.cn