时空三极环境大数据平台

**青藏高原东南缘人群线粒体基因组数据（2016-2019）**

英文标题：Mitochondrial genome data of population in the southeastern margin of Qinghai Tibet Plateau (2016-2019)

1、摘要

云南西部和东北部位于青藏高原东南，前期遗传学研究表明，该区域人群中保留着较多旧石器晚期人类的遗传印记，并且这些古老的遗传印记很可能进一步扩散到青藏高原。因此，对该区域人群的遗传学研究，有助于厘清早期人类定居青藏高原的迁徙历史。在本研究中，我们对分布于云南不同地区的傣族人群进行了遗传学研究。采用Sanger测序的方法对264个傣族个体进行了线粒体DNA高变区测序。基于系统发育思想，我们对这些数据进行质量控制，确保没有样本污染等质量问题。以修订后的剑桥标准序列参考，进行突变位点的输出。根据世界范围内的人群的线粒体DNA系统发育树（PhyloTree.org），对每个样本进行单倍型类群划分。结合已发表的其他地区的傣族人群的mtDNA数据，系统研究了傣族人群的母系遗传结构和形成机制。结果表明，不同地区的泰族人群有着较近的遗传关系，并且在这些泰族人群中普遍存在的单倍型类群（F1a、M7b以及B5a）可追溯至中国南方，提示泰族人群可能起源于中国南方，并在铁器或青铜时代向南迁徙至大陆东南亚。不同地区的泰族群体在遗传上表现出一定程度的分化，这与他们的语言和文化存在一定差异的现象相吻合，说明泰族在向南迁徙的过程中与周边人群（如藏缅语族、南亚语系等）发生了文化和遗传融合。

2、关键词

主题关键词：草地
学科关键词：陆地表层
地点关键词：线粒体DNA, 云南西部, 傣族
时间关键词：2016-2019

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：0.26MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：25.095720916419467 | - |
| 西：97.92 | - | 东：105.06 |
| - | 南：21.729062694252878 | - |

5、时间范围2016-05-11 16:00:00+00:00--2019-12-08 03:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

孔庆鹏. 青藏高原东南缘人群线粒体基因组数据（2016-2019）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.1038/jhg.2016.36, CSTR:, 2020.[KONG Qingpeng. Mitochondrial genome data of population in the southeastern margin of Qinghai Tibet Plateau (2016-2019). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.1038/jhg.2016.36, CSTR:, 2020]

文章的引用:

Li, Y.C., Huang, W., Tian, J.Y., Kong, Q.P. (2016). Exploring the maternal history of the Tai people. Journal of Human Genetics, 61, 721–729.

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项

8、数据资源提供者

姓名: 孔庆鹏
单位: 中国科学院昆明动物研究所
电子邮件: kongqp@mail.kiz.ac.cn