时空三极环境大数据平台

**青藏高原主要家养动物转录组测序数据（2019）**

英文标题：Transcriptome sequencing data of main domestic animals in the Tibetan Plateau (2019)

1、摘要

为描述青藏高原及周边地区主要驯化动物遗传多样性的分布格局，厘清其相关遗传背景。2019年我们选取云南地区品种猪可作为低海拔参考，采集2只品种猪脑区RNA组织样品提取总RNA，建库并做转录组测序。测序产生了一批322G转录组测序原始数据。为研究青藏高原家养动物适应高原极端环境提供基础数据，为探索该地区主要驯化动物的驯化、迁徙、扩张等群体历史事件，并进一步探讨驯化动物对缺氧、高寒、干燥等恶劣环境的适应机理提供资料。

2、关键词

主题关键词：森林  
学科关键词：陆地表层  
地点关键词：泛第三极  
时间关键词：2019

3、数据细节

1.比例尺：None

2.投影：

3.文件大小：322000.0MB

4.数据格式：None

4、空间范围

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| - | 北：25.143489 | - |
| 西：102.746654 | - | 东：102.746654 |
| - | 南：25.143489 | - |

5、时间范围2019-01-09 08:00:00+00:00--2020-01-08 19:59:59+00:00

6、引用方式

数据的引用:

彭旻晟. 青藏高原主要家养动物转录组测序数据（2019）. 时空三极环境大数据平台, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270433, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270433, 2020.[PENG Minsheng. Transcriptome sequencing data of main domestic animals in the Tibetan Plateau (2019). A Big Earth Data Platform for Three Poles, DOI:10.11888/Ecolo.tpdc.270433, CSTR:18406.11.Ecolo.tpdc.270433, 2020]

文章的引用:

7、资助项目信息

泛第三极环境变化与绿色丝绸之路建设专项  
第二次青藏高原综合科学考察研究

8、数据资源提供者

姓名: 彭旻晟  
单位: 中国科学院昆明动物研究所  
电子邮件: pengminsheng@mail.kiz.ac.cn